L’URGI, unité INRA de recherches en génomique info (36 bioinformaticiens) dédiée à la génomique et à la génétique des plantes et de ses bioagresseurs recherche :

**1 ingénieur en développement d’applications, en contrat CDD**

Durée : 24 mois

Lieu de travail:

INRA-URGI ([http://urgi.versailles.inra.fr](http://urgi.versailles.inra.fr/)) sur le centre INRA de Versailles (<http://www.versailles.inra.fr>).

Mission :

La personne recrutée fera partie de l’équipe « Système d’information et intégration de données ». Elle participera aux évolutions de l’outil Plant Synteny Viewer (<https://urgi.versailles.inra.fr/synteny/synteny/viewer.do>) dans le cadre du projet investissement d’avenir Biomass for the Futur ( <http://www.biomassforthefuture.org> ). Cet outil permet l’affichage de la synteny et de la phylogénie des génomes modernes et ancestraux (céréales, animaux, dicotylédones, blé).

Plant Synteny Viewer s’appuie sur les technologies Java/J2EE, Spring, Hibernate, Ajax/GWT.

Fonctionnement:

La personne intégrera une équipe de développement qui suit les méthodologies agiles (Scrum, Extreme Programming).

Compétences :

Bonnes capacités relationnelles, goût pour le travail en équipe et en particulier la programmation en binôme. La curiosité n’est pas un défaut.

Maîtrise de l’environnement Linux.

Pratique du langage Java.

Pratique d’un IDE (Eclipse).

Connaissance des technologies web. Ajax/GWT serait un plus.

Expérience en bases de données relationnelles (SQL). Une expérience en modélisation (UML) est un plus.

Maîtrise de l’anglais technique du domaine.

Formation :

Master2 (bioinformatique, informatique) ou Ecole d’ingénieur.

Les candidatures (CV et lettre de motivation) sont à envoyer **avant le 8 septembre 2014**

au format électronique à : raphael.flores@versailles.inra.fr, michael.alaux@versailles.inra.fr, delphine.steinbach@versailles.inra.fr

avec en sujet de l’email : 2014-URGI-PSV

**Les auditions sont à prévoir entre le 11 et le 15 septembre pour une prise de fonction en octobre.**